



Halászati Tudományos Tanácskozás

2010. május 12-13.

**GENETIKAI MARKEREK NÖVEKVŐ
JELENTŐSÉGŰ RAGADOZÓ HALFAJOKBÓL**



Kánainé Sipos Dóra

Bakos Katalin

Urbányi Béla

Kovács Balázs



A téma aktualitása, jelentősége

Afikai harcsa (*Clarias gariepinus*)

- tenyésztési szerepe mellett biológiai kutatásoknak is fontos tárgya

Süllő (*Sander lucioperca L.*)

- az intenzív tenyésztési technológia kidolgozás alatt

az akvakultúrában betöltött szerepük növekszik

A molekuláris biológia számos olyan lehetőséget kínál, melyek nagyban elősegítik a tenyésztés és a termelési technológiák hatékonyabbá tételét.

Azonban legtöbb halfajunkról, azok populációiról, tenyésztett állományaikról és változataikról csak nagyon kevés genetikai információt ismerünk.



Célkitűzések

Olyan új genetikai markerek – **mikroszatellitek** - izolálása afrikai harcsából és süllőből amelyek lehetővé teszik ezen Európa-szerte növekvő jelentőségű fajok:

- populációgenetikai,
- konzerváció-biológiai,
- származás-ellenőrzési vizsgálat
- egyedek azonosítása,
- intenzív tenyésztési és szelekciós programok ellenőrzése,
- felhasználhatók genetikai térképezésre,
- biológiai, vagy gazdasági szempontból fontos gének azonosítására

Izolálásukra a ma ismert leghatékonyabb módszert az „ismétlődésekben dúsított genomiális könyvtárak” létrehozását és vizsgálatát használtuk.



Eredmények

- Afrikai harcsa és süllő genomiális DNS-ből **5** db mikroszatellit dúsított genomi könyvtárat hoztunk létre (Afrikai harcsa – Hae III., Rsa I., Alu I.; Süllő – Hae III., RsaI.).
- könyvtárakból eddig összesen **186** klónt vizsgáltunk, ezek mindegyike hordozott egy általunk beépített fragmentet (kolónia PCR).
- melyek közül eddig **50** szekvenciáját határoztuk meg.
- **48** szekvenciában találtunk mikroszatellit ismétlődéseket.
- ezek közül **47** egyedi szekvenciát találtunk (1 db kétszer fordult elő)
- **16** esetben terveztünk primereket az ismétlődő régiót határoló szakaszokra és **8** primer pár működőképességét ellenőriztük (PCR reakcióval)